

Animal : **Syntaxe of Caniland's Dream**

N° d'identification :	250 268 780 031 671	Propriétaire :	Simon BEDARD
Race :	Cocker Spaniel Anglais	N° de prélèvement :	E00928007 (prélevé le 06/06/2024)
Sexe :	Mâle	Code résultat :	A00077293
Date de naissance :	20/06/2021	Préleveur :	Dominique CORDONNIER (Vétérinaire - N° d'ordre : 9628)
Pedigree :			Prélèvement authentifié
Résultat établi le :	20/06/2024	Document établi le :	20/06/2024

MALADIES	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT	EXPRESSION	TRANSMISSION
Atrophie Progressive de la Rétine (APR-prcd)	PRCD c.5G>A	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Collapsus Induit par l'Exercice (EIC)	DNM1 c.767G>T	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Néphropathie Familiale	COL4A4 c.115A>T	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Syndrome d'Automutilation des Pattes (AMS)	GDNF g.70875561C>T	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Déficit en Phosphofructokinase	PFKM c.2228G>A	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Dysplasie Rétinienne	NDP c.653_654insC	Récessif lié à l'X	Monozygote normal	✓	✓
Sensibilité Médicamenteuse MDR1	MDR1 c.227_230delATAG	Autosomique codominant	Homozygote normal	✓	✓
Xanthinurie	MOCOS c.383delC	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓

EXPLICATIONS	EXPRESSION	TRANSMISSION
Homozygote normal : l'animal possède 2 copies normales du gène.	✓ L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.	L'animal ne transmet pas la mutation testée.
Hétérozygote : l'animal possède une copie normale et une copie défectueuse du gène.	! L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.	L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.
Homozygote muté : l'animal possède 2 copies défectueuses du gène.		

Animal : **Syntaxe of Caniland's Dream**

N° d'identification :	250 268 780 031 671	Propriétaire :	Simon BEDARD
Race :	Cocker Spaniel Anglais	N° de prélèvement :	E00928007 (prélevé le 06/06/2024)
Sexe :	Mâle	Code résultat :	A00077293
Date de naissance :	20/06/2021	Préleveur :	Dominique CORDONNIER (Vétérinaire - N° d'ordre : 9628)
Pedigree :			Prélèvement authentifié
Résultat établi le :	20/06/2024	Document établi le :	20/06/2024

Les résultats des caractères morphologiques ne permettent pas de déterminer précisément l'apparence de l'animal, mais vous informent sur leur transmission à la descendance.

CARACTÈRES MORPHOLOGIQUES	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT
Locus A - Agouti			
a	ASIP c.286C>T	Autosomique récessif	a ^w /a ^w
A ^y	ASIP c.244G>T/248G>A	Autosomique dominant	a ^w /a ^w
Locus B - Marron			
			Non Porteur Marron (B/B)
b ^a	TYRP1 c.555T>G	Autosomique récessif	B/B
b ^c	TYRP1 c.121T>A	Autosomique récessif	B/B
b ^d	TYRP1 c.1033_1035del	Autosomique récessif	B/B
b ^e	TYRP1 c.1025T>G	Autosomique récessif	B/B
b ^s	TYRP1 c.991C>T	Autosomique récessif	B/B
Locus E - Extension			
			Jaune (e/e)
e	MC1R c.916C>T	Autosomique récessif	e/e
e ²	MC1R g.63695679C>G	Autosomique récessif	E/E
e ³	MC1R c.816_817delCT	Autosomique récessif	E/E
E ^h	MC1R c.250G>A	Autosomique dominant	E/E
Locus I - Intensité (i)			
	MFSD12 c.151C>T	Autosomique récessif	Intensité forte à modérée (I/I)
Locus K - Noir Dominant (K ^y)			
	CBD103 c.231_233del	Autosomique dominant	Non exprimé (k^y/k^y)
Locus M - Merle			
	SILV SINE insertion	Autosomique dominant	Non porteur Merle (m/m)
Poil Bouclé ou Ondulé (c ¹)			
	KRT71 c.451C>T	Autosomique dominant	Non porteur (C/C)
Polydactylie			
	LMBR1 DC-2	Autosomique dominant	Non porteur de polydactylie
Shedding			
	MC5R g.24430748C>T	Autosomique codominant	Faible chute de poils

Animal : **Syntaxe of Caniland's Dream**

N° d'identification :	250 268 780 031 671	Propriétaire :	Simon BEDARD
Race :	Cocker Spaniel Anglais	N° de prélèvement :	E00928007 (prélevé le 06/06/2024)
Sexe :	Mâle	Code résultat :	A00077293
Date de naissance :	20/06/2021	Préleveur :	Dominique CORDONNIER (Vétérinaire - N° d'ordre : 9628)
Pedigree :			Prélèvement authentifié
Résultat établi le :	20/06/2024	Document établi le :	20/06/2024

MALADIES	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT	EXPRESSION	TRANSMISSION
				✓	✓
Myélopathie Dégénérative (DM)	SOD1 c.118G>A	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓

EXPLICATIONS	EXPRESSION	TRANSMISSION
Homozygote normal : l'animal possède 2 copies normales du gène.	✓ L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.	L'animal ne transmet pas la mutation testée.
Hétérozygote : l'animal possède une copie normale et une copie défectueuse du gène.	! L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.	L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.
Homozygote muté : l'animal possède 2 copies défectueuses du gène.		